

Caroline BAZZOLI

Née le 16 juillet 1982 à Saint Marcellin (38)
Quartier les Rimets
26190 Saint-Jean-en-Royans

Adresses professionnelles :

IUT2 Grenoble
Département STID
BSHM –BP47
1251, Avenue Centrale
38400 Campus - Saint Martin d'Hères - Gières
Tel : +33.(0)4.76.82.58.73
E-mail : bazzolic@iut2.upmf-grenoble.fr

Laboratoire Jean Kuntzmann (LJK)
Département de Statistique
51 rue des Mathématiques
Campus -Saint-Martin-d'Hères BP 53
38041 Grenoble cedex 09
Tel : +33.(0)4.76.51.45.47
E-mail : caroline.bazzoli@imag.fr

CURSUS UNIVERSITAIRE

- Sept. 2010 **Maître de Conférences** à l'Université Pierre Mendès-France de Grenoble, affecté au département STID de l'IUT 2 de Grenoble.
- Jan. 2010 **Attaché Temporaire d'Enseignement et de Recherche (ATER)** à l'Université Pierre Mendès France affecté au département STID de l'IUT2 de Grenoble.
- Dec. 2009 **Doctorat de Biomathématiques** de l'Université Paris Diderot (Paris VII)
Titre : « *Evaluation et optimisation de protocoles pour les modèles non linéaires à effets mixtes : application à la modélisation de la pharmacologie des antirétroviraux* ».
Directeur : Professeur France Mentré
Unité 738 Institut National de la Santé et de la Recherche Médicale (INSERM) -Université Paris Diderot, Paris (75), France.

THEMES DE RECHERCHE

- Modèles non linéaires à effets mixtes
- Modèles à réponses multiples
- Planifications d'expériences
- Pharmacocinétique de population
- Applications à la pharmacologie et aux sciences du vivant

ENSEIGNEMENT

- Sept. 2010 - **Maître de conférence à l'IUT2 de Grenoble (Département STID)**
Cours, TD : Statistiques Descriptives, Introduction à la statistique inférentielle, Data-mining, Analyse de la variance, Analyse de données
TP : Data-mining(SAS, SPAD), Analyse de la variance (R, Minitab) , Analyse de données (SAS, SPAD)
Encadrement de projet tuteurés et de stages
- Jan. 2010 - **ATER à l'IUT2 de Grenoble (Département STID)**
Cours, TD : Introduction à la statistique inférentielle, Data-mining, Analyse de la variance
TP : Data-mining (SAS, SPAD), Analyse de la variance (R, Minitab)
Encadrement de projet tuteurés et de stages

2006-2010 **Doctorat à l'Université Paris Diderot**

TP (R) : Bootstrap, optimisation de protocole en régression non linéaire simple et mixte, Modèles linéaires et non linéaires mixtes (**Master 2 de Recherche en Santé Publique et Management de la Santé**)

TD : Biostatistiques (**PCEM1, Université Paris 7 et Paris 6**)

ENSEIGNEMENT PROFESSIONNEL

- **Workshop: Population PK-PD design evaluation and optimization: PFIM and PFIM Interface**, Merck-Serono, Co-enseignante, Genève, Juillet 2010.
- **One day workshop on Population pharmacokinetic-pharmacodynamic design evaluation and optimization: PFIM and PFIM Interface**, organisé par ACOP (American Conference On Pharmacometrics), Co-enseignante, Mystic, Etats-Unis, Octobre 2009.

PUBLICATIONS

Revues à comité de lecture

- A1.** C Bazzoli, H. Bénech, E. Rey, S. Retout, D. Salmon, X. Duval, J. M. Tréluyer, F. Mentré and the COPHAR2- ANRS 111 study group Population joint pharmacokinetic analysis of zidovudine, lamivudine and their active intracellular metabolites in HIV patients, *Antimicrobial Agents and Chemotherapy*, **2011**.
- A2.** M Bouillon-Pichault, V Jullien, C Bazzoli, G Pons, M Tod. Pharmacokinetic design optimization in children and estimation of maturation parameters: example of cytochrome P450 3A4. *Journal of pharmacokinetics and Pharmacodynamics*, **2011**.
- A3.** J Guedj, C Bazzoli, AU Neumann, F Mentré. Design evaluation and optimization for models of hepatitis C viral dynamics. *Statistics in Medicine*, **2010**.
- A4.** C Bazzoli, V Jullien, C Le-tiec, E Rey, F Mentré, AM Taburet Review: "Intracellular pharmacokinetics of antiretrovirals: correlation with drug actions in patients with HIV", *Clinical pharmacokinetics*, 2010.
- A5.** S Retout, E Comets, C Bazzoli, F Mentré. Design optimisation in nonlinear mixed effects models using cost functions: application to a joint model of infliximab and methotrexate pharmacokinetics, *Communications in Statistics*, 2009.
- A6.** C Bazzoli, S Retout, F Mentré. Design evaluation and optimisation in multiple response nonlinear mixed effects models: PFIM 3.0, *Computer Methods and Programs in Biomedicine*, 2009.
- A7.** C Bazzoli, S Retout, F Mentré. Fisher information matrix for nonlinear mixed effects multiple response models: evaluation and comparison by simulation to results from FO, FOCE and SAEM algorithms, *Statistics in Medicine*, 2009.

COMMUNICATIONS

Communications orales dans des congrès

C1. C Bazzoli, S Retout, F Mentré « Design evaluation and optimisation in multi-response nonlinear mixed effect models with cost functions: application to the pharmacokinetics of zidovudine and its active metabolite », *Journées De la Statistique (JDS)*, **2010**, Marseille, France.

C2. C Bazzoli, S Retout, F Mentré « Incorporation de fonctions de coûts pour l'optimisation de protocoles dans les modèles non linéaires à effets mixtes : Application à la pharmacocinétique de la zidovudine et de son métabolite actif », *Population Approach group in Europe (PAGE)*, **2010**, Berlin, Allemagne.

Posters dans des congrès

P1. TT Nguyen, C Bazzoli, F Mentré. Designing a dose response study analysed by nonlinear mixed effects models, *Population Approach group in Europe*, **juin 2011**, Athènes, Grèce.

P2. F Mentré, J Nyberg, K Ogungbenro, S Leonov, A Aliev, S Duffull, C Bazzoli, A C. Hooker. Comparison of results of the different software for design evaluation in population pharmacokinetics and pharmacodynamics. *American Conference on Pharmacometrics (ACOP)*, **février 2011**, San Diego, Etats-Unis.

P3. C Bazzoli, TT Nguyen, E Comets, A Dubois, H Lenagard, F Mentré. New features for population design evaluation and optimisation with R functions: PFIM Interface 3.1 and PFIM 3.2, *American Conference on Pharmacometrics (ACOP)*, **février 2011**, San Diego, Etats-Unis.

P4. C Dumont, TT Nguyen, C Bazzoli, F Mentré. Design evaluation in nonlinear mixed effects models: influence of covariance between random effects, *American Conference on Pharmacometrics (ACOP)*, **février 2011**, San Diego, Etats-Unis.

P5. J Guedj, C Bazzoli, F Mentré. Design evaluation and optimization for models of hepatitis C viral dynamics. *Population Optimum Design Experiments*, **Août 2010**, Berlin, Allemagne.

DEVELOPPEMENT DE LOGICIEL

PFIM : fonctions R pour l'évaluation et l'optimisation de protocoles dans les modèles non linéaires à effets mixtes. Fonctions basées sur l'expression de la matrice d'information de Fisher dans ces modèles. Logiciel libre disponible sur le site : <http://www.pfim.biostat.fr>.

MEMBRE DE GROUPE DE TRAVAIL

- **Monolix** : Groupe multidisciplinaire travaillant sur les modèles à effets mixtes (www.monolix.org).
- **PODE** : Groupe international travaillant sur la théorie des protocoles en régression non linéaire à effets mixtes (<http://www.maths.qmul.ac.uk/~bb/PODE/PODE.html>).